

DEPARTAMENTO DE QUÍMICA BIOLÓGICA

CURSO DE POSTGRADO O SEMINARIO

AÑO: 2017

1) NOMBRE DEL CURSO/SEMINARIO:

Los bacteriófagos: del genoma al metagenoma

2) NOMBRE Y APELLIDO DEL RESPONSABLE:

Dra. Mariana Piuri, Dr. Raul Raya (CERELA, Tucumán)

3) DOCENTES QUE COLABORAN EN EL DICTADO DEL CURSO:

Dr. Peter Fineran (Universidad de Otago, Nueva Zelanda)

Dr. Alejandro Reyes (Universidad de Los Andes, Colombia)

Dra. Leticia Bentancor (Universidad de Quilmes, Argentina)

Dr. Adrián Turjanski (FCEN-UBA, Argentina)

Dra. Nancy Lopez (FCEN-UBA, Argentina)

Dra. Vanina Grippo (ICT Milstein, Argentina)

Dr. Leonardo Erijman (INGEBI, Argentina)

Jefe de Trabajos Prácticos

*Dra. Mariana Allievi (FCEN-UBA, Argentina) JTP DE Depto. Química Biológica

Ayudantes de Trabajos Prácticos

*Lic. Mercedes Palomino (FCEN-UBA, Argentina) AY. 1ra DE Depto. Química Biológica Lic. Eugenia Dieterle (FCEN-UBA, Argentina) AY. 1ra DE Depto. FBMC MSc. Liliana Rondón (FCEN-UBA, Argentina)

Lic. Estefanía Urdániz (FCEN-UBA, Argentina)

5) CANTIDAD DE HORAS TOTALES DE DICTADO: 80 horas

- a) TEORICAS: 34 hs
- b) SEMINARIOS: 9 hs
- c) LABORATORIO: 37 hs
- d) **CLASES TEORICAS-PRACTICAS: -**
- 6) FORMA DE EVALUACIÓN: Examen final escrito y seminarios
- 7) <u>LUGAR DE DICTADO:</u> Departamento de Química Biológica, FCEN, UBA.
- 8) PUNTAJE QUE OTORGA PARA EL DOCTORADO:

^{*} sujeto a distribución docente segundo cuatrimestre



9) Nº DE ALUMNOS: Mínimo: 13

Máximo: 25

10) ARANCEL PROPUESTO: \$ 2500

11) PROGRAMA ANALÍTICO Y BIBLIOGRAFÍA DEL CURSO:

El curso se centra en la generación y análisis de datos biológicos en gran escala. En particular usaremos bacteriófagos como modelo para la integración de diversas disciplinas, desde la genómica, modelado de proteínas, biotecnología y con particular enfásis en el análisis de datos de genómica y metagenómica viral.

Los objetivos del curso son:

- Que el alumno comprenda la importancia del estudio de los bacteriófagos: i) en el desarrollo de nuevos paradigmas (i.e., biología molecular como ciencia); y ii) el impacto que estas abundantes, diversas y complejas entidades biológicas tienen, mediante procesos de transferencia horizontal de genes, en los procesos evolutivos de los genomas bacterianos.
- Destacar el rol de los bacteriófagos en las comunidades microbianas con énfasis en el descubrimiento de nuevos fagos mediante el análisis de metagenomas.
- Introducir a los alumnos en el manejo de herramientas bioinformáticas para la anotación de genomas de fagos y ensamblado de genomas virales a partir de datos metagenómicos complejos.
- Demostrar la utilidad de los bacteriófagos en el desarrollo de herramientas para la manipulación genética de microorganismos.
- Difundir las posibilidades de utilización biotecnológica de los bacteriófagos incluido su empleo como vacunas y la fagoterapia como alternativa a la terapia convencional con fármacos.
- Bacteriófagos como nuevos nanomateriales (phage display)
- Explotar el uso de bacteriófagos para la detección de patógenos en alimentos y con fines diagnósticos.
- Que los alumnos se familiaricen con las técnicas básicas de manejo de bacteriófagos en el laboratorio.

El curso está diseñado de la siguiente manera: 1) clases teóricas, presentadas por destacados investigadores nacionales e internacionales en la especialidad; 2) prácticas de laboratorio (incluye análisis bioinformático) y 3) seminarios presentados por los alumnos que permitirán reforzar los conocimientos de las clases teóricas, discutir estrategias y diseños de los experimentos y análisis de resultados, y evaluar al alumno en la temática del curso.

Clases Teóricas

- 1-Bacteriófagos: conceptos básicos. Descubrimiento. Clasificación. Estructura. Ciclos de Multiplicación. Regulación lisis-lisogenia. Replicación. Ensamblado y empaquetamiento. Lisis. Reconocimiento del hospedador.
- 2- Resistencia a fagos: inmunidad "innata"
- 3- Resistencia a fagos: inmunidad "adaptativa"- CRISPR-Cas
- 4- Recombineering: su empleo para la modificación de genomas de bacteriófagos.
- 5- Fagos para detección de patógenos en alimentos y en muestras clínicas
- 6- Técnicas de secuenciación de última generación
- 7- Ensamblado de genomas y metagenomas



- 8- Estudio del bacteriófago implicado en la expresión de la toxina Shiga.
- 8- Phage display: concepto y aplicaciones.
- 9- Ecología microbiana: Bacteriófagos en comunidades naturales microbianas.
- 10- Metagenómica, principios teóricos y conceptos principales.
- 11- Uso de fagos en Fagoterapia y Biocontrol.
- 12- Empleo de bacteriófagos en procesos de biotecnología ambiental
- 13- Herramientas bioinformáticas aplicadas al estudio estructural de proteínas de fagos.
- 14- Metagenómica viral, aplicaciones al intestino humano.

Clases Prácticas

TP1: Aislamiento de Micobacteriófagos (a partir de muestras de tierra) y fagos de *Lactobacillus casei* (a partir de leches no procesadas). Purificación de bacteriófagos. Obtención de stocks y aislamiento de ADN de bacteriófago. Análisis por restricción de ADN de bacteriófagos.

TP2: Fluoromicobacteriófagos para detección y Determinación de Susceptibilidad a drogas de *Mycobacterium*

TP3: Anotación de genomas de bacteriófagos y bacterias

TP4: Ensamblaje y análisis de metaviromas

Bibliografía General

Libros

Madigan, M.T. (2012). Brock biology of microorganisms. San Francisco, Benjamin Cummings.

Kutter, E., Raya, R., Carlson, K. (2005). Bacteriophages Biology and Applications. E. S. Kutter, A. USA, CRC Press: 165-222.

Calendar, R. (2006). The bacteriophages. Oxford; New York, Oxford University Press.

Bibliografía Específica

- Piuri M., Jacobs, W. R. Jr, Hatfull G. F. (2009). "Fluoromycobacteriophages for rapid, specific, and sensitive antibiotic susceptibility testing of *Mycobacterium tuberculosis*." PLoS One 4(3): e4870.
- Rondon L., Piuri M., Jacobs W. R., Jr., de Waard J., Hatfull G. F., Takiff, H. E. (2011). "Evaluation of fluoromycobacteriophages for detecting drug resistance in *Mycobacterium tuberculosis*" J Clin Microbiol 49(5): 1838-1842.
- Hatfull GF, Hendrix RW. (2011) "Bacteriophages and their genomes." Curr Opin Virol. 1(4):298-303.
- Marinelli LJ, Hatfull GF, Piuri M. (2012) "Recombineering: A powerful tool for modification of bacteriophage genomes." Bacteriophage. 1;2(1):5-14.
- Piuri M, Rondón L, Urdániz E, Hatfull GF. (2013) "Generation of affinity-tagged fluoromycobacteriophages by mixed assembly of phage capsids" Appl Environ Microbiol. 79(18):5608-15

- Dieterle ME, Bowman C, Batthyany C, Lanzarotti E, Turjanski A, Hatfull G, Piuri M. (2014) "Exposing the secrets of two well-known *Lactobacillus casei* phages, J-1 and PL-1, by genomic and structural analysis" Appl Environ Microbiol. 80(22):7107-21.
- Raya RR, Oot RA, Moore-Maley B, Wieland S, Callaway TR, Kutter EM, Brabban AD (2011) "Naturally resident and exogenously applied T4-like and T5-like bacteriophages can reduce *Escherichia coli* O157:H7 levels in sheep guts" Bacteriophage 1(1):15-24.
- Raya RR, Varey P, Oot RA, Dyen MR, Callaway TR, Edrington TS, Kutter EM, Brabban AD. (2006) "Isolation and characterization of a new T-even bacteriophage, CEV1, and determination of its potential to reduce *Escherichia coli* O157:H7 levels in sheep" Appl Environ Microbiol. 72(9):6405-10.
- Reyes A, Blanton L. V., Cao S. Zhao G, Manary M, Trehan I, Smith M.I., Wang D, Virgin H.W, Rohwer F, Gordon J.I. Gut DNA viromes of Malawian twins discordant for severe acute malnutrition. PNAS (2015), Sept 22; 112(38):11941-11946.
- Reyes A, McNulty N, Wu M, Rohwer F, Gordon JI. Gnotobiotic mouse model of phagebacterial host dynamics in the human gut. PNAS (2013) Dec 10;110 (50):20236-41.
- Reyes A, Haynes M, Hanson N, Angly F, Heath A, Rohwer F, Gordon JI. Metagenomic analysis of viruses in the fecal microbiota of monozygotic twins and their mothers. Nature. (2010) Jul 15;466(7304):334-8.
- Reyes A, Semenkovich NP, Whiteson K, Rohwer F, Gordon JI. Going viral: nextgeneration sequencing applied to phage populations in the human gut. Nat Rev Microbiol. (2012) Aug 6;10(9):607-17.
- Aziz RK, Dwivedi B, Akhter S, Breitbart M, Edwards RA. Multidimensional metrics for estimating phage abundance, distribution, gene density, and sequence coverage in metagenomes. Front Microbiol. 2015 May 8;6:381.
- Dutilh BE, Cassman N, McNair K, Sanchez SE, Silva GG, Boling L, Barr JJ, Speth DR, Seguritan V, Aziz RK, Felts B, Dinsdale EA, Mokili JL, Edwards RA. (2014)" A highly abundant bacteriophage discovered in the unknown sequences of human faecal metagenomes" Nat Commun. 24;5:4498.

***************************************	4104004041110001100010001000100010000000	
V°B° Del Departamento	Firma del Responsable	



Referencia Expte. N° 507.587/17

Buenos Aires, 1 4 AGO 2017

VISTO:

la nota presentada por el Dr. Marcelo Martí, Director del Departamento de Química Biológica, mediante la cual eleva la información del curso de posgrado BACTERIÓFAGOS DEL GENOMA AL METAGENOMA, que será dictado del 9 al 20 de Octubre de 2017 por la Dra. Mariana Piuri y el Dr. Raúl Raya con la colaboración del Dr. Peter Fineran, el Dr. Alejandro Reyes, la Dra. Leticia Bentancor, el Dr. Adrian Turjanski, la Dra. Nancy López, la Dra. Vanina Grippo, el Dr. Leonardo Erijman, la Dra. Mariana Allievi, la Lic. Mariela Mezzina, la Lic. Eugenia Dieterle, la Magister Lillana Rondón y la Lic. Estefanía Urdániz,

la nota a fojas 9 presentada por la docente responsable, Dra. Mariana Piuri, informando que el curso pasará a llamarse LOS BACTERIÓFAGOS: DEL GENOMA AL METAGENOMA,

CONSIDERANDO:

lo actuado por la Comisión de Doctorado,

lo actuado por la Comisión de Posgrado,

lo actuado por la Comisión de Presupuesto y Administración,

lo actuado por este cuerpo en Sesión Ordinaria realizada en el día de la fecha,

en uso de las atribuciones que le confiere el Artículo Nº 113º del Estatuto Universitario,

EL·CONSEJO DIRECTIVO DE LA FACULTAD DE CIENCIAS EXACTAS Y NATURALES R E S U E L V E:

Artículo 1º: Aprobar el nuevo curso de posgrado LOS BACTERIÓFAGOS; DEL GENOMA AL METAGENOMA de 80 hs. de duración.

Artículo 2º: Aprobar el programa del curso de posgrado LOS BACTERIÓFAGOS: DEL GENOMA AL METAGENOMA, obrante a fs 10 a 12 del expediente de la referencia.

Artículo 3º: Aprobar un puntaje máximo de tres (3) puntos para la Carrera del Doctorado.

Artículo 4º: Aprobar un arancel de 2500 módulos. Disponer que los fondos recaudados ingresen en la cuenta presupuestaria habilitada para tal fin, y sean utilizados de acuerdo a la Resolución 072/03.

Artículo 5°: Comuníquese a la Dirección del Departamento de Química Biológica y a la Biblioteca de la FCEyN (con fotocopia del programa incluida). Comuníquese a la Dirección de Alumnos, a la Dirección de Presupuesto y Contabilidad, a la Dirección de Movimiento de Fondos y a la Secretaría de Posgrado. Cumplido archívese.

Resolución CD Nº SP/ga/05/07/2017

· 1 94 9

Dr. JOSÉ OLABE IPARRAGUIRRE SECRETARIO DE POSGRADO FOEN - UBA

Dr. LUIS M. BARALDO VICTORICA

VICEDECANO